RECHERCHE UNIDIMENSIONNELLE

Les codes de ce corrigé sont exclusivement rédigés en python. Par conséquent, la convention pour l'indexation des tableaux (ou listes) est celle de ce langage, à savoir que la première case est d'indice 0. Il en est de même dans le cas de tableau/liste bidimmensionné.

1 Une simple boucle suffit, avec une condition d'arrêt qui consiste soit à sortir du tableau, soit à rencontrer une case contenant un 1.

```
def nombreZerosDroite(i,tab,n):
    p=i
    while p<n and tab[p]==0:
        p+=1
    return (p-i)</pre>
```

2 Il s'agit simplement de rédiger l'algorithme décrit par l'énoncé. Un compteur est utilisé pour retenir la longueur de la plus grande séquence de zéros rencontrée.

```
def nombreZerosMaximum(tab,n):
    p=0; max=0;
    while p<n:
        a=nombreZerosDroite(p,tab,n)
        if a>max:
            max=a
        p+=a+1
    return max
```

La façon dont s'incrémente le compteur p assure que chaque case du tableau est consultée au plus une fois par les différentes appels à nombreZerosDroite. Ainsi, la complexité est bien linéaire.

DE LA 1D VERS LA 2D

- 3 Le programme proposé utilise le principe suivant:
 - Dans un premier temps, on lance un appel à nombre Zeros Droite sur la i-ième ligne du tableau à partir de l'indice j. Cela détermine un premier rectangle rempli de 0 et de coin inférieur gauche la case (i,j).
 - Plus généralement, étant donné $x \in [0; i]$, un appel à nombreZerosDroite sur la ligne d'indice x à partir de j donne la longueur de plus grande séquence de 0 sur cette ligne à partir de i. Pour constituer un rectangle de 0 de taille maximale entre les lignes d'indices i et x, il suffit alors de considérer le minimum de ces valeurs.

On effectue donc une boucle avec un indice x décroissante de (i-1) à 0. Pour chaque valeur, on lance un nouveau calcul de nombreZerosDroite puis on retient la plus petite longueur courante. On calcule alors l'aire du rectangle ainsi trouvé, et on met à jour le maximum courant en fonction de la valeur de l'aire calculée .

```
def rectangleHautDroit(tab2,n,i,j):
    l=nombreZerosDroite(j,tab2[i],n)
    max=1
    for x in range(i):
        d=nombreZerosDroite(j,tab2[i-x-1],n)
        l=min(1,d)
        if 1*(x+2) > max:
            max=1*(x+2)
    return max
```

On pourrait légèrement améliorer le temps de calcul en interrompant les boucles dans certaines conditions :

- Lors du calcul de d à chaque boucle, l'appel nombreZerosDroite utilise une boucle while jusqu'à déborder du tableau ou atteindre un 1. On pourrait également arrêter cette boucle dès lors que l'on dépasse la valeur courante de 1.
- La boucle sur x peut être arretée dès lors que l'on tombe sur une valeur tab2[x][j] égale à 1.

Toutefois, ces modifications alourdissent le code (ne permettant pas notamment d'utiliser le programme de la question 1) sans pour autant changer quoi que ce soit à la complexité dans le pire cas. C'est pourquoi nous ne les avons pas prises en compte.

4 Une solution naïve consisterait maintenant à appliquer rectangleHautDroit à tous les couples $(i, j) \in [0; n-1]$ puis à prendre le maximum de ces valeurs.

Ce travail n'est pas demandé car il n'est pas optimal. En effet, un appel à rectangleHautDroit est de complexité $O(n^2)$ dans le cas le pire (si par exemple, le tableau ne contient que des 0, pour le coin en bas à gauche). Puisque l'on doit l'appliquer pour n^2 couples, on obtient une complexité excessivement mauvaise en $O(n^4)$.

L'approche naïve donne une solution de complexité $\mathrm{O}(n^4)$ dans le pire cas.

- 5 Une solution à éviter consisterait à calculer naïvement pour chaque case le nombre de zéros au dessus d'elle (au sens large) à l'aide d'une boucle. Celle-ci étant dans le cas le pire de complexité linéaire, on aurait un coût en $O(n^3)$. Une solution plus intelligente consiste à remarquer que :
 - Pour la première ligne, on a col[i][j]=1 si et seulement si tab2[i][j]=0;
 - Pour tout $i \ge 1$, on a

$$\label{eq:col_ij} \begin{split} \text{col}[\mathtt{i}][\mathtt{j}] = \left\{ \begin{array}{c} 0 & \text{si tab2[i][j]=0} \\ \\ 1 + \text{col[i-1][j] sinon.} \end{array} \right. \end{split}$$

Ces constatations permettent de remplir directement le tableau col ligne par ligne avec un coût constant pour le calcul de chacune des valeurs. Il suffit d'écrire le code suivant.

```
def colonneZeros(tab2,n):
    t=[]
    for k in range(n):
        t.append([])
    t[0]=[1-tab2[0][j] for j in range(n)]
    for i in range(1,n):
        for j in range(n):
            if tab2[i][j]==0:
                 t[i].append(1+t[i-1][j])
        else:
                 t[i].append(0)
    return t
```

 $\boxed{\mathbf{6}}$ Avec la méthode ci-dessus, le calcul de chaque valeur de col prend un temps constant. Comme il y a n^2 valeurs à calculer,

La fonction colonne Zeros a un coût en $\mathrm{O}(n^2)$ dans le pire cas.

ALGORITHME OPTIMISÉ

7 Notons que compte tenu de la convention qui fait démarrer les indices des tableaux/listes à 0, il faut remplacer la première condition d'arrêt par: « si j=0, affecter L[i] = 0 ». Justifions par récurrence sur $i \in [0; n-1]$ que le calcul de L[i] est correct à l'aide du prédicat:

```
« \mathcal{P}_i: le calcul de L[i] termine et est correct. »
```

- Le calcul de L[0] est correct, car j est initialisé à 0, et le calcul s'arrête aussitôt en affectant 0 à L[0].
- Supposons les calculs de L[0], ..., L[i-1] terminant et corrects. Le calcul de L[i] s'effectue par une boucle pour laquelle on va exhiber l'invariant de boucle suivant:

```
\forall \mathcal{I}: \text{Pour tout } k \in [j; i], \text{ on a histo[k]} \geqslant \text{histo[i]} \Rightarrow
```

- o A l'initialisation, \mathcal{I} est vérifiée car j = i et donc $[\![j\,;\,i\,]\!] = \{i\}$.
- o Supposons la propriété $\mathcal I$ réalisée au début de l'étape d'une boucle, et vérifions qu'elle l'est toujours à la fin de cette étape. Dans les deux premiers cas, j n'est pas modifié, donc $\mathcal I$ reste valable à la fin de l'étape de boucle. Dans le dernier cas, on a histo[j-1] \geqslant histo[i] . Alors, par hypothèse de récurrence et définition de L,

```
\forall k \in [\![ \, \mathrm{L}[j-1] \, ; \, j-1 \, ]\!], \quad \mathtt{histo[k]} \ \geqslant \ \mathtt{histo[j-1]} \ \geqslant \ \mathtt{histo[i]}
```

Puisque j est affecté à L[j-1], l'invariant de boucle $\mathcal I$ est bien conservé à la fin de la boucle.

On en déduit que \mathcal{I} est bien conservé tout au long du calcul de L[i]. Justifions maintenant ce dernier termine et est correct.

o A chaque étape de la boucle, soit le calcul termine, soit j est affecté à L[j-1] qui est inférieur à j-1. Ainsi, j diminue au moins d'une unité. Comme le calcul s'arrête lorsque j=0, cette propriété prouve que le calcul ne peut pas boucler indéfiniment. Il termine donc nécessairement.

o Lorsque le calcul termine, on a alors deux possibilités: soit j=0, soit histo[j-1] < histo[i]. L'invariant assure que histo[k] \geqslant histo[i] pour tout $k \in [j; i]$. Dans les deux cas, j est alors clairement le plus petit entier pour lequel cette propriété est vérifiée.

Par conséquent, on a bien démontré que le calcul de L[i] termine et donne le bon résultat.

• Par récurrence, on en déduit que pour tout $i \in [0; n-1]$, le calcul de L[i] est correct.

L'algorithme calcule correctement les valeurs de ${\tt L}.$

Etudions maintenant le déroulement de cet algorithme sur l'exemple de l'énoncé. L'utilisation d'un dessin précis est grandement recommandée. Notons déjà que par définition

$$\mathtt{histo[i]} = \left\{ \begin{array}{ll} i+1 & \mathrm{si} \ i \in \llbracket \ 0 \ ; \ n-1 \rrbracket \\ 2n-i & \mathrm{si} \ i \in \llbracket \ n \ ; \ 2n-1 \rrbracket \end{array} \right.$$

et

$$\mathbf{L}[i] = \left\{ \begin{array}{c} i \;\; \mathrm{si} \; i \in \llbracket \, 0 \, ; \, n-1 \, \rrbracket \\ \\ 2n-1-i \;\; \mathrm{si} \; i \in \llbracket \, n \, ; \, 2n-1 \, \rrbracket \end{array} \right.$$

- Par définition, le calcul de L[0] se termine immédiatement en affectant la valeur 0 (et ce indépendamment du tableau histo au passage).
- Pour tout i ∈ [1; n − 1], on a histo[i-1] < histo[i]. Le calcul de L[i] initialise donc j à i et termine tout de suite pour un coût constant.
- Pour tout $i \in [n; 2n-1]$, l'algorithme commence par affecter j à i. Ensuite,
 - o Puisque histo[i-1] \geqslant histo[i] (avec égalité si i = n), j est remplacé par L[i-1] (qui a déjà été correctement calculé) soit 2n i.
 - o A l'étape de boucle suivante, on a histo[j-1] = histo[2n-1-i] soit 2n-i-1. Cette fois, histo[2n-i-1] est égal à 2n-i, donc à histo[i]. Ainsi, j est remplacé par L[2n-i-1], c'est-à-dire 2n-i-1 lui-même.
 - o Pour finir, on a à la boucle suivante histo[j-1] = histo[2n-i-2] soit 2n-1-i qui est strictement inférieur à histo[i], sauf cas particulier où i=2n-1 auquel cas j=0. Dans les deux cas, la boucle s'arrête.

Dans tous les cas, le calcul de T[i] ne nécessite qu'un nombre constant (indépendant de n) d'opérations élémentaires.

On déduit de cette analyse que

L'algorithme s'exécute en $\mathcal{O}(n)$ opérations élémentaires sur l'histogramme $[1,2,3,\ldots,n-1,n,n,n-1,\ldots,2,1].$

L'implémentation de la fonction calculeL n'est pas demandée, mais elle suit tout simplement la description de l'énoncé. En décomposant l'histogramme comme une succession de montées/descentes, on peut démontrer que la complexité reste en O(n) dans le pire cas quel que soit l'histogramme.

def calculeL(histo,n):

$$L=[0]*n$$

```
def maj(i,j):
        if j==0:
             L[i]=0
        elif histo[j-1]<histo[i]:</pre>
             L[i]=j
        else:
             maj(i,L[j-1])
    for i in range(n):
        maj(i,i)
    return L
La fonction calculeR se définit de manière symétrique.
def calculeR(histo,n):
    L=[0]*n
    def maj(i,j):
        if j==n-1:
             L[i]=n-1
        elif histo[j+1]<histo[i]:
             L[i]=j
        else:
             maj(i,L[j+1])
    for i in range(n):
        maj(n-1-i,n-1-i)
    return L
```

8 C'est une conséquence immédiate de la définition de L. En effet,

$$\forall k \in [\![L[i] ; R[i] \!], \quad \text{histo}[k] \geqslant \text{histo}[i]$$

En particulier,

Pour tout entier i, le rectangle commençant à l'indice L[i] et terminant en R[i] et de hauteur histo[i] est inclus dans l'histogramme.

- 9 Il suffit de faire les constatations suivantes, qui découlent de la maximalité de l'aire du rectangle considéré:
 - Le rectangle est inclus dans l'histogramme, donc histo[i] est supérieur ou égal à h pour tout i dans $[\![l\,;\,k\,]\!]$.
 - Le rectange est d'aire maximale, donc il existe un entier i dans [l; k] tel que histo[i] soit égal à h exactement. Dans le cas contraire, on pourrait augmenter la hauteur du rectangle d'une unité et contredire la maximalité de ce dernier.
 - De la même manière, on a nécessairement L[i] = 1, sans quoi histo[1-1] serait supérieur ou égal à histo[i] soit h. On pourrait alors rajouter la colonne de hauteur h située à l'indice 1-1 au rectangle et contredire à nouveau sa maximalité. De la même manière, on a nécessairement R[i] égal à r exactement.

Ce qui précède assure l'existence d'au moins un entier \mathtt{i} vérifiant les conditions de l'énoncé.

```
Il existe i dans [\![\,l\,;\,r\,]\!] tel que histo[i]=h, L[i]=l et R[i]=r.
```

Le dernier argument montre qu'en fait, les conditions L[i]=1 et R[i]=r sont vérifiées par tout entier i dans [l; r] tel que histo[i]=h.

10 D'après le résultat de la question précédente, le rectangle d'aire maximale inclut dans l'histogramme est à chercher parmi les rectangles débutant en L[i], terminant en R[i] et de hauteur histo[i]. Une simple boucle suffit à calculer toutes les aires correspondantes, et on se contente de renvoyer le maximum.

```
def plusGrandRectangleHistogramme(histo,n):
    L=calculeL(histo,n)
    R=calculeR(histo,n)
    A=[histo[i]*(R[i]-L[i]+1) for i in range(n)]
    return max(A)
```

La complexité de calculeL et calculeR étant linéaire d'après l'énoncé, cette fonction est également de complexité linéaire.

CONCLUSION

11 L'énoncé a déjà tout dit, il n'y plus qu'à appliquer la méthode. On calcule pour chaque ligne du résultat de colonneZeros le rectangle d'aire maximale inclus dans l'histogramme qu'elle représente, puis on prend le maximum de toutes ces valeurs.

```
def rectangleToutZero(tab2,n):
    h=colonneZeros(tab2,n)
    t=[plusGrandRectangleHistogramme(h[i],n) for i in range(n)]
    return max(t)
```

 $oxed{12}$ La fonction colonneZeros est de complexité quadratique tandis que la fonction plusGrandRectangleHistogramme est de complexité linéaire et est exécutée n fois pour un coût total quadratique. Enfin, la fonction max est de complexité linéaire. Ainsi,

La fonction rectangleToutZero est de complexité quadratique.